

CURRICULUM VITAE

INFORMAZIONI PERSONALI	
<i>nome</i>	Maristella Pitzalis
<i>Data di nascita</i>	
<i>Nazionalità</i>	Italiana
<i>Indirizzo</i>	
<i>Telefono</i>	
<i>E-mail</i>	maristella.pitzalis@irgb.cnr.it, maristella.pitzalis@cnr.it, [REDACTED]
<i>Posizione</i>	Ricercatrice a tempo indeterminato all'Istituto di Ricerca Genetica e Biomedica del Consiglio Nazionale delle Ricerche (IRGB-CN)
ID Web of Science Researcher	HJI-0803-2023
Orcid:	0000-0003-4975-6987
H-index	20 da Web of Science, 22 da google scholar
PROFILO	
<i>Breve Descrizione</i>	<p>Focus della ricerca: dissezione genetica delle malattie autoimmuni, ad alta prevalenza nella popolazione sarda, e dei relativi tratti biomedici quantitativi, con l'obiettivo di chiarire i meccanismi patogenetici e tradurli in applicazioni cliniche innovative.</p> <p>Competenze:</p> <ul style="list-style-type: none"> Studio variabilità genetica inter-individuale e delle associazioni tra fenotipo e malattia. Caratterizzazione della variazione genetica funzionale per chiarire i meccanismi di malattia e identificare nuovi pathway farmacologicamente aggredibili. Solida e comprovata esperienza di laboratorio: dall'organizzazione di studi caso-controllo alla gestione di biobanche di campioni biologici e di dataset complessi. Padronanza di tecniche avanzate di biologia molecolare, con particolare expertise nel next-generation sequencing (NGS) e nei protocolli di single-cell RNA-seq su diverse piattaforme tecnologiche. <p>Impatto scientifico: le attività di ricerca hanno portato all'identificazione di target molecolari chiave e di meccanismi di suscettibilità nelle malattie autoimmuni, contribuendo in modo significativo all'avanzamento delle conoscenze e apre nuove prospettive per la medicina di precisione e lo sviluppo di terapie innovative e mirate.</p>

ESPERIENZA LAVORATIVA	
(Dic 2018 – presente)	Ricercatrice a tempo indeterminato, Istituto di Ricerca Genetica e Biomedica (IRGB) – Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR), Cagliari (Italia)
(Agos 2012 – Dic 2018)	Istituto di Ricerca Genetica e Biomedica (IRGB) – Consiglio Nazionale delle Ricerche (CNR), Cagliari (Italia)
(Feb 2010 – Gen 2012)	Giovani Ricercatori, finanziato dalla Regione Autonoma della Sardegna, Cagliari (Italia)
(Ott 2007 – Gen 2010)	Assegnista di ricerca, Dipartimento di Scienze Biomediche – Università di Sassari, Sassari (Italia)
(Giu 2006 – Mag 2007)	Collaboratore di ricerca, Dipartimento di Scienze Biomediche – Università di Sassari, Sassari (Italia)
(Apr 2003 – Apr 2005)	Assegnista di ricerca, Dipartimento di Scienze Biomediche e Biotecnologie – Università di Cagliari, Cagliari (Italia)
(Ott 2002 – Apr 2003)	Collaboratore di ricerca, Dipartimento di Scienze Biomediche e Biotecnologie – Università di Cagliari, Cagliari (Italia)
EDUCATION	
(Mar 2025)	Abilitazione Scientifica Nazionale (ASN) 2023/2025 per Professore Associato – Settore 05/I1 Genetica.
(Feb 2012)	Dottorato di ricerca in Genetica Medica, Malattie Metaboliche e Nutrigenomica, Università di Sassari, Sassari (Italia)
(Ott 2008)	Specializzazione in Patologia Clinica, Università di Cagliari, Cagliari (Italia) (Votazione: 50/50 e lode)
(Giu 2002)	Abilitazione alla professione di Biologo, Università di Cagliari, Cagliari (Italia) (Votazione: 29/30)
(Ott 2001)	Laurea in Biologia, Università di Cagliari, Cagliari (Italia) (Votazione: 109/110)
COMPETENZE	<p>Competenze interpersonali: comprovate capacità organizzative e spiccata attitudine al lavoro di squadra, sviluppate attraverso un'ampia esperienza all'interno di gruppi di ricerca impegnati nello studio delle malattie autoimmuni in Sardegna. Ho maturato la capacità di collaborare in modo efficace, favorendo interazioni positive per il raggiungimento di obiettivi ambiziosi e condivisi.</p> <p>Competenze digitali: ottima padronanza del pacchetto Microsoft Office e degli strumenti Internet su piattaforme Windows e macOS, con conoscenza operativa aggiuntiva degli ambienti Linux.</p>
LINGUE	<p>Lingua madre: Italiano</p> <p>Altra lingua: Inglese (ascolto B1, lettura B1, scrittura B1, produzione orale B1, interazione orale B1)</p>

ATTIVITA' ACCADEMICA	
	Direzione o partecipazione alle attività di un gruppo di ricerca a livello nazionale o internazionale
(2023 - 2025)	CO-PI in BLUE-MS (B Lymphocytes Unveil Etiopathogenesis in Multiple Sclerosis through genetic and transcriptomic analyses) project. Finanziato da PE00000006 “A multiscale integrated approach to the study of the nervous system in health and disease” MNESYS SPOKE N. 7, Budget 300.000 euro
(2023 - 2025)	PI nel progetto “e.INS – Ecosystem of Innovation for Next Generation Sardinia” Identification Code ECS00000038, CUP B83C22003910001 Mission 4 Education and Research, Component 2 From Research to Business, Investment 1.5 funded by the European Union – NextGenerationEU. Prot. No. 1056 of 23/06/2022. importo 600.000 euro
(2022 - 2023)	PI nel progetto “Un approccio Genomico Integrato per l'identificazione di biomarcatori nel diabete di tipo 1 nella popolazione sarda”. Funded by the Banco di Sardegna Bandi ROL (35007). importo € 10.000
(2019 - 2022)	Partecipazione alle attività di ricerca del progetto “Dissecting the impact of gut mucosal immunity in autoimmune diseases.”. <i>Finanziato da: MIUR-PRIN.</i> importo € 764.210
(2019 - 2022)	Partecipazione alle attività di ricerca del progetto “PATH Pathology in Automated Traceable Healthcare”. <i>Finanziato dal MIUR.</i> importo €. 806.000
(2019 - 2022)	Partecipazione alle attività di ricerca del progetto “Elucidazione del ruolo dell’immunità mucosale nella sclerosi multipla”. Funding Source Regione Autonoma della Sardegna (Legge regionale 7 Sardegna). importo €. 378.000
(2019 - 2025)	Partecipazione alle attività di ricerca del progetto “A genetic toolbox in MS drug discovery: patent development of candidate genes”. Finanziato da Multiple Sclerosis Foundation (FISM). Importo € 1.050.000
(2021 - 2022)	Partecipazione alle attività di ricerca del progetto “Impact of genetic factors and drugs used in the treatment of multiple sclerosis on cellular and humoral immune responses after vaccination against Sars-Cov-2: a pilot study in Sardinia”. Finanziato da Multiple Sclerosis Foundation (FISM). Importo € 50.000
(2021 - 2023)	Partecipazione alle attività di ricerca del progetto “Impact of genetic factors and drugs used in the treatment of multiple sclerosis on cellular and humoral immune responses after vaccination against Sars-Cov-2”. Finanziato da Multiple Sclerosis Foundation (FISM). Importo € 350.000
(2010 – 2012)	PI del progetto “Analisi della variabilità genetica in Sardegna attraverso inferenza aplotipica e catalogazione di varianti genetiche fondatrici sarde per futuri studi genetici”. Finanziato dalla Regione Sardegna, bando giovane ricercatore (CRP3_237)
	Direzione o partecipazione a comitati editoriali di riviste, collane, encyclopedie e trattati di riconosciuto prestigio.
01-09-2023	Membro del Comitato Editoriale – <i>Molecular Diagnostics and Therapeutics</i> (<i>Frontiers in Molecular Biosciences</i>).
	Incarichi di insegnamento

(2017 - presente)		Supervisione di studenti e Relatore di tesi (IRGB-CNR): 2 studenti del corso di laurea in Biotecnologie e 3 studenti del corso di laurea in Biologia Molecolare e Cellulare.
PUBBLICAZIONI		
1		Pireddu MP, Rizzo G, Congiu F, Chessa E, Pitzalis M , Ragusa E, Floris A, Deidda F, Congia M, Naitza MR, Angioni MM, Cucca F, Cauli A, Piga M. Stratifying patients by TNFSF13B genotype revealed increased flare and renal flare risk, but a greater benefit from belimumab: a potential biomarker for personalized treatment in systemic lupus erythematosus. <i>J Autoimmun.</i> 2025 Jul;155:103455. doi: 10.1016/j.jaut.2025.103455. Epub 2025 Jun 29. PMID: 40587933.
2		TYK2:p.Pro1104Ala variant protects against autoimmunity by modulating immune cell levels. Steri M., Orru` V., Sidore C, Mulas A, Pitzalis M , Busonero F, Maschio A., Serra V., Dei M., Lai S., Virdis F., MLobina M., Loizedda A, Marongiu M., Masala M., Floris M., Curreli N., Balaci L., Loi F., Pilia M.G, Delitala A., Fiorillo E., Schlessinger D, Zoledziewska M. Preprint Authorea September 27, 2024
3		Intestinal Blastocystis is linked to healthier diets and more favorable cardiometabolic outcomes in 56,989 individuals from 32 countries Elisa Piperni, Long H Nguyen, Paolo Manghi, Hanseul Kim, Edoardo Pasolli, Sergio Andreu-Sánchez, Alberto Arrè, Kate M Birmingham, Aitor Blanco-Míguez, Serena Manara, Mireia Valles-Colomer, Elco Bakker, Fabio Busonero, Richard Davies, Edoardo Fiorillo, Francesca Giordano, George Hadjigeorgiou, Emily R Leeming, Monia Lobina, Marco Masala, Andrea Maschio, Lauren J McIver, Mauro Pala, Pitzalis M , Jonathan Wolf, Jingyuan Fu, Alexandra Zhernakova, Simone M Cacciò, Francesco Cucca, Sarah E Berry, Danilo Ercolini, Andrew T Chan, Curtis Huttenhower, Tim D Spector, Nicola Segata, Francesco Asnicar (2024). CELL , ISSN: 0092-8674, doi: https://doi.org/10.1016/j.cell.2024.06.018 <i>WOS:001302129500001</i>
4		Implications of disease-modifying therapies for multiple sclerosis on immune cells and response to COVID-19 vaccination. Orrù V, Serra V, Marongiu M, Lai S, Lodde V, Zoledziewska M, Steri M, Loizedda A, Lobina M, Piras MG, Virdis F, Delogu G, Marini MG, Mingoia M, Floris M, Masala M, Castelli MP, Mostallino R, Frau J, Lorefice L, Farina G, Fronza M, Carmagnini D, Carta E, Pilotto S, Chessa P, Devoto M, Castiglia P, Solla P, Zarbo RI, Idda ML*, Pitzalis M* , Cocco E*, Fiorillo E*, Cucca F*. <i>Front Immunol.</i> 2024 Jul 15;15:1416464. doi: 10.3389/fimmu.2024.1416464. PMID: 39076966; PMCID: PMC11284103. Pitzalis M co-last author <i>WOS:001278078500001</i>
5		Intermittent and periodic fasting - Evidence and perspectives in multiple sclerosis. Lorefice L, Pitzalis M , Zoledziewska M. <i>Mult Scler Relat Disord.</i> 2024 Aug;88:105744. doi: 10.1016/j.msard.2024.105744. Epub 2024 Jun 21. PMID: 38914047. <i>WOS:001259577800001</i>

6	Omics approaches to understanding the efficacy and safety of disease-modifying treatments in multiple sclerosis. Lorefice L, Pitzalis M , Murgia F, Fenu G, Atzori L, Cocco E. <i>Front Genet.</i> 2023 Jan 30;14:1076421. doi: 10.3389/fgene.2023.1076421. Erratum in: <i>Front Genet.</i> 2023 Mar 03;14:1169919. PMID: 36793897; PMCID: PMC9922720. WOS:000935686500001
7	Cross-sectional analysis of the humoral response after SARS-CoV-2 vaccination in Sardinian multiple sclerosis patients, a follow-up study. Idda ML*, Pitzalis M* , Lodde V, Loizedda A, Frau J, Lobina M, Zoledziewska M, Virdis F, Delogu G, Marini MG, Mingoia M, Masala M, Lorefice L, Fronza M, Carmagnini D, Carta E, Pilotto S, Castiglia P, Chessa P, Uzzau S, Farina G, Solla P, Steri M, Devoto M, Fiorillo E, Floris M, Zarbo RI, Cocco E, Cucca F. <i>Front Immunol.</i> 2022 Aug 18;13:946356. doi: 10.3389/fimmu.2022.946356. WOS:000849190000001 Pitzalis M corresponding author
8	Multiple sclerosis disease-modifying therapies and COVID-19 vaccines: a practical review and meta-analysis. Etemadifar M, Nouri H, Pitzalis M , Idda ML, Salari M, Baratian M, Mahdavi S, Abhari AP, Sedaghat N. <i>J Neurol Neurosurg Psychiatry.</i> 2022 Sep;93(9):986-994. doi: 10.1136/jnnp-2022-329123. Epub 2022 Jun WOS:000810551400001
9	Effect of Different Disease-Modifying Therapies on Humoral Response to BNT162b2 Vaccine in Sardinian Multiple Sclerosis Patients. Pitzalis M* , Idda ML*, Lodde V, Loizedda A, Lobina M, Zoledziewska M, Virdis F, Delogu G, Pirinu F, Marini MG, Mingoia M, Frau J, Lorefice L, Fronza M, Carmagnini D, Carta E, Orrù V, Uzzau S, Solla P, Loi F, Devoto M, Steri M, Fiorillo E, Floris M, Zarbo IR, Cocco E, Cucca F. <i>Front Immunol.</i> 2021 Dec 9;12:781843. doi: 10.3389/fimmu.2021.781843. eCollection 2021. PMID: 34956211 WOS:000738250800001 Pitzalis M corresponding author
10	PRF1 mutation alters immune system activation, inflammation, and risk of autoimmunity. Sidore C, Orrù V, Cocco E, Steri M, Inshaw JR, Pitzalis M , Mulas A, McGurnaghan S, Frau J, Porcu E, Busonero F, Dei M, Lai S, Sole G, Virdis F, Serra V, Poddie F, Delitala A, Marongiu M, Deidda F, Pala M, Floris M, Masala M, Onengut-Gumuscu S, Robertson CC, Leoni L, Frongia A, Ricciardi MR, Chessa M, Olla N, Lovicu M, Loizedda A, Maschio A, Mereu L, Ferrigno P, Curreli N, Balaci L, Loi F, Ferrel LA, Pilia MG, Pani A, Marrosu MG, Abecasis GR, Rich SS, Colhoun H, Todd JA, Schlessinger D, Fiorillo E, Cucca F, Zoledziewska M. <i>Mult Scler.</i> 2021 Aug;27(9):1332-1340. doi: 10.1177/1352458520963937. Epub 2020 Oct 14. PMID: 33566725

		WOS:000677455800001
11		<p>Complex genetic signatures in immune cells underlie autoimmunity and inform therapy.</p> <p>Orrù V, Steri M, Sidore C, Marongiu M, Serra V, Olla S, Sole G, Lai S, Dei M, Mulas A, Virdis F, Piras MG, Lobina M, Marongiu M, Pitzalis M, Deidda F, Loizedda A, Onano S, Zoledziewska M, Sawcer S, Devoto M, Gorospe M, Abecasis GR, Floris M, Pala M, Schlessinger D, Fiorillo E, Cucca F. Nat Genet. 2020 Oct;52(10):1036-1045. doi: 10.1038/s41588-020-0684-4. Epub 2020 Sep 14. PMID: 32929287</p>
12		<p>WOS:000569297900003 - 2-s2.0-85090944663</p> <p>A Sardinian founder mutation in GP1BB that impacts thrombocytopenia. Busonero F, Steri M, Orrù V, Sole G, Olla S, Marongiu M, Sidore C, Lai S, Mulas A, Maschio A, Zoledziewska M, Floris M, Pala M, Forabosco P, Asunis I, Pitzalis M, Deidda F, Masala M, Caria CA, Barella S, Abecasis GR, Schlessinger D, Sanna S, Fiorillo E, Cucca F. Br J Haematol. 2020 Dec;191(5):e124-e128. doi: 10.1111/bjh.17090. Epub 2020 Nov 20.</p>
13		<p>WOS:000590690600001 - 2-s2.0-85096635625</p> <p>Genomic history of the Sardinian population. Chiang CWK, Marcus JH, Sidore C, Biddanda A, Al-Asadi H, Zoledziewska M, Pitzalis M, Busonero F, Maschio A, Pistis G, Steri M, Angius A, Lohmueller KE, Abecasis GR, Schlessinger D, Cucca F, Novembre J. Nat Genet. 2018 Oct;50(10):1426-1434. doi: 10.1038/s41588-018-0215-8. Epub 2018 Sep 17. PMID: 30224645.</p>
14		<p>WOS:000446047000014 - 2-s2.0-85053696179</p> <p>Overexpression of the Cytokine BAFF and Autoimmunity Risk. Steri M, Orrù V, Idda ML, Pitzalis M, Pala M, Zara I, Sidore C, Faà V, Floris M, Deiana M, Asunis I, Porcu E, Mulas A, Piras MG, Lobina M, Lai S, Marongiu M, Serra V, Marongiu M, Sole G, Busonero F, Maschio A, Cusano R, Cuccuru G, Deidda F, Poddie F, Farina G, Dei M, Virdis F, Olla S, Satta MA, Pani M, Delitala A, Cocco E, Frau J, Coghe G, Lorefice L, Fenu G, Ferrigno P, Ban M, Barizzone N, Leone M, Guerini FR, Piga M, Firinu D, Kockum I, Lima Bomfim I, Olsson T, Alfredsson L, Suarez A, Carreira PE, Castillo-Palma MJ, Marcus JH, Congia M, Angius A, Melis M, Gonzalez A, Alarcón Riquelme ME, da Silva BM, Marchini M, Danieli MG, Del Giacco S, Mathieu A, Pani A, Montgomery SB, Rosati G, Hillert J, Sawcer S, D'Alfonso S, Todd JA, Novembre J, Abecasis GR, Whalen MB, Marrosu MG, Meloni A, Sanna S, Gorospe M, Schlessinger D, Fiorillo E, Zoledziewska M, Cucca F. N Engl J Med. 2017 Apr 27;376(17):1615-1626. doi: 10.1056/NEJMoa1610528. PubMed PMID: 28445677.</p> <p>WOS:000400071900005</p>
15		<p>Mitogenome Diversity in Sardinians: A Genetic Window onto an Island's Past.</p> <p>Olivieri A, Sidore C, Achilli A, Angius A, Posth C, Furtwängler A, Brandini S, Capodiferro MR, Gandini F, Zoledziewska M, Pitzalis M, Maschio A, Busonero F, Lai L, Skeates R, Gradoli MG, Beckett J, Marongiu M, Mazzarello V, Marongiu P, Rubino S, Rito T, Macaulay V, Semino O, Pala M, Abecasis GR, Schlessinger D, Conde-Sousa E, Soares P, Richards MB, Cucca F, Torroni A. Mol Biol Evol. 2017 May 1;34(5):1230-1239. doi:</p>

		10.1093/molbev/ msx082. PubMed PMID: 28177087; PubMed Central PMCID: PMC5400395. WOS:000399373300015 - 2-s2.0-85019115396
16		Novel multiple sclerosis susceptibility loci implicated in epigenetic regulation. Andlauer TF, Buck D, Antony G, Bayas A, Bechmann L, Berthele A, Chan A, Gasperi C, Gold R, Graetz C, Haas J, Hecker M, Infante-Duarte C, Knop M, Kümpfel T, Limmroth V, Linker RA, Loleit V, Luessi F, Meuth SG, Mühlau M, Nischwitz S, Paul F, Pütz M, Ruck T, Salmen A, Stangel M, Stellmann JP, Stürner KH, Tackenberg B, Then Bergh F, Tumani H, Warnke C, Weber F, Wiendl H, Wildemann B, Zettl UK, Ziemann U, Zipp F, Arloth J, Weber P, Radivojkov-Blagojevic M, Scheinhardt MO, Dankowski T, Bettecken T, Lichtner P, Czamara D, Carrillo-Roa T, Binder EB, Berger K, Bertram L, Franke A, Gieger C, Herms S, Homuth G, Ising M, Jöckel KH, Kacprowski T, Kloiber S, Laudes M, Lieb W, Lill CM, Lucae S, Meitinger T, Moebus S, Müller-Nurasyid M, Nöthen MM, Petersmann A, Rawal R, Schminke U, Strauch K, Völzke H, Waldenberger M, Wellmann J, Porcu E, Mulas A, Pitzalis M , Sidore C, Zara I, Cucca F, Zoledziewska M, Ziegler A, Hemmer B, Müller-Myhsok B. Sci Adv. 2016 Jun 17;2(6):e1501678. doi: 10.1126/sciadv.1501678. eCollection 2016 Jun. PubMed PMID: 27386562; PubMed Central PMCID: PMC4928990. WOS:000380073800009 - 2-s2.0-85009238794
17		The burden of multiple sclerosis variants in continental Italians and Sardinians. Barizzone N, Zara I, Sorosina M, Lupoli S, Porcu E, Pitzalis M , Zoledziewska M, Esposito F, Leone M, Mulas A, Cocco E, Ferrigno P, Guerini FR, Brambilla P, Farina G, Murru R, Deidda F, Sanna S, Loi A, Barlassina C, Vecchio D, Zauli A, Clarelli F, Braga D, Poddie F, Cantello R, Martinelli V, Comi G, Frau J, Lorefice L, Pugliatti M, Rosati G; PROGEMUS (PROgnostic GENetic factors in MULTiple Sclerosis) Consortium PROGRESSO (Italian network of Primary Progressive Multiple Sclerosis) Consortium, Melis M, Marrosu MG, Cusi D, Cucca F, Martinelli Boneschi F, Sanna S, D'Alfonso S. Mult Scler. 2015 Oct;21(11):1385-95. doi: 10.1177/1352458515596599. PubMed PMID: 26438306. WOS:000362484100008 - 2-s2.0-84943164376
18		Genome sequencing elucidates Sardinian genetic architecture and augments association analyses for lipid and blood inflammatory markers. Sidore C, Busonero F, Maschio A, Porcu E, Naitza S, Zoledziewska M, Mulas A, Pistis G, Steri M, Danjou F, Kwong A, Ortega Del Vecchyo VD, Chiang CW, Bragg-Gresham J, Pitzalis M , Nagaraja R, Tarrier B, Brennan C, Uzzau S, Fuchsberger C, Atzeni R, Reinier F, Berutti R, Huang J, Timpson NJ, Toniolo D, Gasparini P, Malerba G, Dedoussis G, Zeggini E, Soranzo N, Jones C, Lyons R, Angius A, Kang HM, Novembre J, Sanna S, Schlessinger D, Cucca F, Abecasis GR. Nat Genet. 2015 Nov;47(11):1272-81. doi: 10.1038/ng.3368. Epub 2015 Sep 14. PubMed PMID: 26366554; PubMed Central PMCID: PMC4627508.
19		Genome-wide association analyses based on whole-genome sequencing in Sardinia provide insights into regulation of hemoglobin levels. Danjou F, Zoledziewska M, Sidore C, Steri M, Busonero F, Maschio A, Mulas A, Perseu L, Barella S, Porcu E, Pistis G, Pitzalis M , Pala M,

		Menzel S, Metrustry S, Spector TD, Leoni L, Angius A, Uda M, Moi P, Thein SL, Galanello R, Abecasis GR, Schlessinger D, Sanna S, Cucca F. <i>Nat Genet.</i> 2015 Nov;47(11):1264-71. doi: 10.1038/ng.3307. Epub 2015 Sep 14. PubMed PMID: 26366553; PubMed Central PMCID: PMC4627580. WOS:000363988200010 - 2-s2.0-84945346364
20		Genome-wide association study of susceptibility loci for breast cancer in Sardinian population. Palomba G, Loi A, Porcu E, Cossu A, Zara I, Budroni M, Dei M, Lai S, Mulas A, Olmeo N, Ionta MT, Atzori F, Cuccuru G, Pitzalis M , Zoledziewska M, Olla N, Lovicu M, Pisano M, Abecasis GR, Uda M, Tanda F, Michailidou K, Easton DF, Chanock SJ, Hoover RN, Hunter DJ, Schlessinger D, Sanna S, Crisponi L, Palmieri G. <i>BMC Cancer.</i> 2015 May 10;15:383. doi: 10.1186/s12885-015-1392-9. PubMed PMID: 25956309; PubMed Central PMCID: PMC4434540. WOS:000363988200011 - 2-s2.0-84945370533
21		Allelic variant in CTLA4 is associated with thyroid failure and faster β-cell exhaustion in latent autoimmune diabetes in adults. Delitala AP, Fanciulli G, Zoledziewska M, Pitzalis M , Pusceddu P, Frongia P, Puddu L, Errigo A, Maioli M, Delitala G, Pes GM. <i>J Diabetes.</i> 2015 Jan;7(1):68-73. PubMed PMID: 25695113. WOS:000347041500011 - 2-s2.0-84920150807
22		Rare variant genotype imputation with thousands of study-specific whole-genome sequences: implications for cost-effective study designs. Pistis G, Porcu E, Vrieze SI, Sidore C, Steri M, Danjou F, Busonero F, Mulas A, Zoledziewska M, Maschio A, Brennan C, Lai S, Miller MB, Marcelli M, Urru MF, Pitzalis M , Lyons RH, Kang HM, Jones CM, Angius A, Iacono WG, Schlessinger D, McGue M, Cucca F, Abecasis GR, Sanna S. <i>Eur J Hum Genet.</i> 2015 Jul;23(7):975-83. doi: 10.1038/ejhg.2014.216. Epub 2014 Oct 8. PubMed PMID: 25293720; PubMed Central PMCID: PMC4463504. WOS:000356170700013 - 2-s2.0-84930868547
23		Population genomic analysis of ancient and modern genomes yields new insights into the genetic ancestry of the Tyrolean Iceman and the genetic structure of Europe. Sikora M, Carpenter ML, Moreno-Estrada A, Henn BM, Underhill PA, Sánchez-Quinto F, Zara I, Pitzalis M , Sidore C, Busonero F, Maschio A, Angius A, Jones C, Mendoza-Revilla J, Nekhrizov G, Dimitrova D, Theodossiev N, Harkins TT, Keller A, Maixner F, Zink A, Abecasis G, Sanna S, Cucca F, Bustamante CD. <i>PLoS Genet.</i> 2014 May 8;10(5):e1004353. doi: 10.1371/journal.pgen.1004353. eCollection 2014 May. PubMed PMID: 24809476; PubMed Central PMCID: PMC4014435.
24		Genetic variants regulating immune cell levels in health and disease. Orrù V, Steri M, Sole G, Sidore C, Virdis F, Dei M, Lai S, Zoledziewska M, Busonero F, Mulas A, Floris M, Mentzen WI, Urru SA, Olla S, Marongiu M, Piras MG, Lobina M, Maschio A, Pitzalis M , Urru MF, Marcelli M, Cusano R, Deidda F, Serra V, Oppo M, Pilu R, Reinier F, Berutti R, Pireddu L, Zara I, Porcu E, Kwong A, Brennan C, Tarrier B, Lyons R, Kang HM, Uzzau S, Atzeni R, Valentini M, Firinu D, Leoni L,

		Rotta G, Naitza S, Angius A, Congia M, Whalen MB, Jones CM, Schlessinger D, Abecasis GR, Fiorillo E, Sanna S, Cucca F. <i>Cell.</i> 2013 Sep 26;155(1):242-56. doi: 10.1016/j.cell.2013.08.041. PubMed PMID: 24074872. WOS:000324916700023
25		Low-pass DNA sequencing of 1200 Sardinians reconstructs European Y-chromosome phylogeny. Francalacci P, Morelli L, Angius A, Berutti R, Reinier F, Atzeni R, Pilu R, Busonero F, Maschio A, Zara I, Sanna D, Useli A, Urru MF, Marcelli M, Cusano R, Oppo M, Zoledziewska M, Pitzalis M , Deidda F, Porcu E, Poddie F, Kang HM, Lyons R, Tarrier B, Gresham JB, Li B, Tofanelli S, Alonso S, Dei M, Lai S, Mulas A, Whalen MB, Uzzau S, Jones C, Schlessinger D, Abecasis GR, Sanna S, Sidore C, Cucca F. <i>Science.</i> 2013 Aug 2;341(6145):565-9. doi: 10.1126/science.1237947. PubMed PMID: 23908240. WOS:000322586700058 - 2-s2.0-84881048484
26		Genome-wide association study of multiple sclerosis confirms a novel locus at 5p13.1. Matesanz F, González-Pérez A, Lucas M, Sanna S, Gayán J, Urcelay E, Zara I, Pitzalis M , Cavanillas ML, Arroyo R, Zoledziewska M, Marrosu M, Fernández O, Leyva L, Alcina A, Fedetz M, Moreno-Rey C, Velasco J, Real LM, Ruiz-Peña JL, Cucca F, Ruiz A, Izquierdo G. <i>PLoS One.</i> 2012;7(5):e36140. doi: 10.1371/journal.pone.0036140. Epub 2012 May 3. PubMed PMID: 22570697; PubMed Central PMCID: PMC3343041.
27		T-cell receptor repertoire analysis in monozygotic twins concordant and discordant for type 1 diabetes. <i>Immunobiology</i> Fozza C, Contini S, Corda G, Virdis P, Galleu A, Bonfigli S, Pacifico A, Maioli M, Mastinu F, Pitzalis M , Cucca F, Longinotti M. . 2012 Sep;217(9):920-5. doi: 10.1016/j.imbio.2012.01.002. Epub 2012 Jan 4. PubMed PMID: 22341303.
28		A trans-specific polymorphism in ZC3HAV1 is maintained by long-standing balancing selection and may confer susceptibility to multiple sclerosis. Cagliani R, Guerini FR, Fumagalli M, Riva S, Agliardi C, Galimberti D, Pozzoli U, Goris A, Dubois B, Fenoglio C, Forni D, Sanna S, Zara I, Pitzalis M , Zoledziewska M, Cucca F, Marini F, Comi GP, Scarpini E, Bresolin N, Clerici M, Sironi M. <i>Mol Biol Evol.</i> 2012 Jun;29(6): 1599-613. doi: 10.1093/molbev/mss002. Epub 2012 Jan 6. PubMed PMID: 22319148.
29		A genome-wide association scan on the levels of markers of inflammation in Sardinians reveals associations that underpin its complex regulation. Naitza S, Porcu E, Steri M, Taub DD, Mulas A, Xiao X, Strait J, Dei M, Lai S, Busonero F, Maschio A, Usala G, Zoledziewska M, Sidore C, Zara I, Pitzalis M , Loi A, Virdis F, Piras R, Deidda F, Whalen MB, Crisponi L, Concas A, Podda C, Uzzau S, Scheet P, Longo DL, Lakatta E, Abecasis GR, Cao A, Schlessinger D, Uda M, Sanna S, Cucca F. <i>PLoS Genet.</i> 2012 Jan; 8(1):e1002480. doi: 10.1371/journal.pgen.1002480. Epub 2012 Jan 26. PubMed PMID: 22291609; PubMed Central PMCID: PMC3266885.
30		TCRBV20S1 polymorphism does not influence the susceptibility to type 1 diabetes and multiple sclerosis in the Sardinian population. Fozza C, Zoledzieska M, Pitzalis M , Simula MP, Galleu A, Contini S, Bonfigli S, Cucca F, Longinotti M. <i>Immunogenetics.</i> 2012 Feb;64(2):153-

		4. doi: 10.1007/s00251-011-0575-z. Epub 2011 Sep 17. PubMed PMID: 21927869.
31		<p>Variants within the immunoregulatory CBLB gene are associated with multiple sclerosis.</p> <p>Sanna S*, Pitzalis M*, Zoledziewska M*, Zara I, Sidore C, Murru R, Whalen MB, Busonero F, Maschio A, Costa G, Melis MC, Deidda F, Poddie F, Morelli L, Farina G, Li Y, Dei M, Lai S, Mulas A, Cuccuru G, Porcu E, Liang L, Zavattari P, Moi L, Deriu E, Urru MF, Bajorek M, Satta MA, Cocco E, Ferrigno P, Sotgiu S, Pugliatti M, Traccis S, Angius A, Melis M, Rosati G, Abecasis GR, Uda M, Marrosu MG, Schlessinger D, Cucca F. <i>Nat Genet.</i> 2010 Jun;42(6): 495-7. doi: 10.1038/ng.584. Epub 2010 May 9. PubMed PMID: 20453840; PubMed Central PMCID: PMC3786343.</p>
32		<p>Variation within the CLEC16A gene shows consistent disease association with both multiple sclerosis and type 1 diabetes in Sardinia.</p> <p>Zoledziewska M, Costa G, Pitzalis M, Cocco E, Melis C, Moi L, Zavattari P, Murru R, Lampis R, Morelli L, Poddie F, Frongia P, Pusceddu P, Bajorek M, Marras A, Satta AM, Chessa A, Pugliatti M, Sotgiu S, Whalen MB, Rosati G, Cucca F, Marrosu MG. <i>Genes Immun.</i> 2009 Jan;10(1):15-7. doi: 10.1038/gene.2008.84. Epub 2008 Oct 23. PubMed PMID: 18946483.</p>
33		<p>Genetic loci linked to type 1 diabetes and multiple sclerosis families in Sardinia.</p> <p>Pitzalis M*, Zavattari P*, Murru R, Deidda E, Zoledziewska M, Murru D, Moi L, Motzo C, Orrù V, Costa G, Solla E, Fadda E, Schirru L, Melis MC, Lai M, Mancosu C, Tranquilli S, Cuccu S, Rolesu M, Secci MA, Corongiu D, Contu D, Lampis R, Nucaro A, Pala G, Pacifico A, Maioli M, Frongia P, Chessa M, Ricciardi R, Lostia S, Marinaro AM, Milia AF, Landis N, Zedda MA, Whalen MB, Santoni F, Marrosu MG, Devoto M, Cucca F. <i>BMC Med Genet.</i> 2008 Jan 20;9:3. doi: 10.1186/1471-2350-9-3. PubMed PMID: 18205952; PubMed Central PMCID: PMC2259316.</p>
34		<p>No association between variation of the FOXP3 gene and common type 1 diabetes in the Sardinian population.</p> <p>Zavattari P*, Deidda E*, Pitzalis M*, Zoa B, Moi L, Lampis R, Contu D, Motzo C, Frongia P, Angius E, Maioli M, Todd JA, Cucca F. <i>Diabetes.</i> 2004 Jul;53(7):1911-4. PubMed PMID: 15220219.</p>
		Autorizzo il trattamento dei miei dati personali contenuti in questo CV ai sensi del Regolamento (UE) 2016/679 (GDPR).

Cagliari, 19.09.25

Signature

Maristella Pitzalis